溶血性贫血:补体介导红细胞破坏机制

Hemolytic anemia: complement mediated red cell destruction

高清妍! 张凤奎!

「关键词】 贫血,溶血性;补体

 Key words
 hemolytic anemia; complement

 doi: 10.13201/j. issn. 1004-2806. 2016. 11.002

 [中图分类号]
 R556.6
 [文献标志码]
 C



专家简介:张凤奎,医学博士,主任医师,血液内科学教授,博士生导师。现任中国医学科学院 北京协和医学院 血液学研究所 血液病医院贫血诊疗中心主任,国家新药临床试验机构主任。主要从事造血系统红细胞疾病临床及实验研究,对各种疑难贫血性疾病诊断与治疗经验非常丰富,重型再生障碍性贫血治疗效果达国际先进水平,率先系统报告我国大颗粒淋巴细胞白血病、先天性红细胞生成异常性贫血、再障造血细胞遗传不稳定性、一线应用兔 ATG 联合 CsA 及大剂量环磷酰胺治疗再障等。将单个核细胞 DNA 电泳技术用于先天性骨髓造血衰竭疾病的筛查,获得良好效果。现兼任《中华血液学杂志》副总编和多个血液杂志编委。主持和参与多项课题研究,发表论文 90 余篇。曾多次被评为先进工作者、优秀共产党员、医科院优秀教师和天津市"五一劳动奖章"。

补体是免疫系统的重要组成部分,可保护机体防御病原体侵犯。补体活化受精细调控,不适当或不受控制的补体激活可引起局部和(或)全身炎症反应、组织损伤以及疾病。补体参与某些疾病的病理机制很早就被认识到,但其在各类溶血性贫血(hemolytic anemia, HA)疾病中所起作用直至近10年才逐渐清晰,并促进了补体通路抑制剂的研发。本文综述补体在溶血性疾病中的作用,以及补体通路抑制剂用于临床治疗的现状。

1 补体激活途径及调节

补体系统由约 50 种血浆和膜蛋白组成^[1],其 生物学功能主要有 3 个:防御化脓性细菌感染;桥 接先天固有免疫和适应性免疫,增强适应性免疫功能;清除免疫复合物和凋亡细胞^[2]。

补体由 3 条不同途径激活: 经典激活途径 (CP)、替代激活途径(AP)和凝集素激活途径(LP, 亦称甘露糖结合凝集素途径)。3 条途径生成各自补体 C3 转化酶、C5 转化酶,最终生成生物效应分子-膜攻击复合物(MAC)。

CP 主要由抗原-抗体复合物激活。C1 复合物 (包括 C1q,C1r,C1s)识别结合抗原的抗体 Fc 段,依次裂解 C4,C2,形成 CP 之 C3 转化酶-C4b2a。后者 裂解 C3,形成 CP 的 C5 转化酶 $(C4b2a3b)^{(1-2)}$ 。AP 依赖体质性少量缓慢自发水

解的 C3 激活("tick-over")。血浆中存在的少量 C3b 结合至细胞表面碳水化合物/蛋白质的羟基, 随后结合 B 因子(FB), FB 被 D 因子(FD)裂解,形 成 AP 之 C3 转化酶-C3bBb,在 C3bBb 作用下更多 C3被裂解,形成正反馈放大环,进而形成 C3bnBb-替代途径 C5 转化酶。备解素结合于 C3bBb 并使 其保持稳定,减缓 C3 转化酶自然衰变及分解速 度⁽¹⁾。LP产生与CP相同的C3转化酶-C4bC2a。 凝集素或纤维凝胶蛋白识别结合病原体表面 N-乙 酰氨基葡萄糖或甘露糖基团,激活丝氨酸蛋白酶 MASP1、MASP2。凝集素与 MASP1、MASP2 组 合,起类似 C1 复合物作用,裂解 C4、C2 形成 C3 转 化酶-C4b2a,其后通路与 CP 相同[1-2]。3 条补体 激活途径形成 C5 转化酶后,终末激活途径相同。 由 C5 转化酶裂解 C5,并依次结合 C6、C7、C8、多分 子 C9,形成跨膜细胞溶解孔道 C5b6789n-MAC⁽¹⁾, 引起细胞或病原体溶解。

其他如结合于磷脂表面 C 反应蛋白、凋亡细胞、活化的 F M 凝血因子可直接激活 CP。C1q 可不依赖抗体,直接结合于某些病原微生物、肿瘤细胞及凋亡细胞表面特定表位引起 CP 活化⁽¹⁻²⁾。CP 中形成的 C3b 亦可共价结合于细菌活化表面激活 AP⁽¹⁾。不论补体激活如何起始,最终大约75%补体活化产物由 AP产生⁽³⁾。

补体激活受可溶性及膜结合调节蛋白精细调控^①。液相补体抑制剂包括 C1 抑制物、C4 结合蛋

¹中国医学科学院 北京协和医学院 血液学研究所 血液病 医院(天津,300020)

通信作者:张凤奎,E-mail:zhfk@hotmail.com

白、因子 I(FI)、因子 H 以及甘聚糖-凝集素相关 44 kDa 蛋白 (Map44/MAP1)等; 膜结合类包括 CR1 受体 (CR1/CD35)、膜辅因子蛋白 (MCP/CD46)、衰变加速因子 (DAF/CD55)以及 CD59 等[□]。多种细胞因子如 IL-4、TNF-α、IL-1β、TGF-β等可增强内皮细胞补体调节蛋白表达[□]。主要表达于内皮细胞表面的血栓调节蛋白,可调节 FI 介导的C3b 失活⁽⁴⁾。凝血酶可直接裂解灭活补体 C3,还可不依赖 C3 直接裂解 C5 形成 C5a,被认为是不同于传统 3 条补体激活通路的补体旁路激活途径⁽⁵⁾,将凝血途径和补体激活途径相互关联。

2 膜结合补体抑制物缺失所致 HA

2.1 先天性 CD59 缺乏

先天性膜结合补体抑制物缺失引起 HA 可见 于先天性 CD59 缺乏。CD59 蛋白是通过 GPI 锚蛋 白联结于细胞表面的膜结合补体抑制物,与补体 C8、C9 结合,抑制 MAC 形成⁶⁵。 先天性 CD59 缺 乏由 CD59 基因突变引起,文献报道不足 10 例⁶⁰。 相较于获得性造血干细胞 pig-a 基因突变引致 GPI 锚缺失,锚联蛋白 CD59 无法锚定于细胞表面,引 起红细胞破坏出现溶血的阵发性睡眠性血红蛋白 尿症(PNH), 先天性 CD59 缺乏可涉及机体所有组 织细胞(6)。患者常自幼发病(3~7个月),与获得 性 PNH 相似,因无法抑制 MAC 形成,表现为慢性 持续性血管内溶血,以及因溶血及 NO 消耗引起的 急性肾功能损害、血栓形成^[6]。此外,CD59 缺失尚 可能通过激活补体引起神经脱髓鞘改变,呈现进行 性免疫相关性神经病变(4)。神经系统异常表现常 比溶血症状更为突出[6]。

流式细胞术检测是鉴别先天性和获得性 CD59 缺失的重要手段。PNH 患者锚蛋白缺失仅发生于血细胞,导致包括 CD55、CD59 在内的多种锚联蛋白不同程度缺失。而先天性 CD59 缺乏患者 CD59 缺失不局限于血细胞,但仅 CD59 缺失。流式细胞术检测应包括至少 2 种 GPI 锚联蛋白标记物(包括 CD59),检测至少 2 个以上细胞系有助于鉴别^[6]。溶血及神经系统表现是诊断先天性 CD59 缺乏的重要线索,若被检细胞系孤立性 CD59 缺失,且伴血液以外系统表现时,须考虑先天性 CD59 缺乏,并以 CD59 基因测序证实或排除。

2.2 PNH

获得性膜结合补体抑制物缺失引起的 HA 最典型者为 PNH。PNH 是获得性克隆性造血干细胞基因突变引起的溶血病,特征为慢性持续性血管内溶血阵发性加重,骨髓衰竭以及血栓形成倾向^[7-8]。PNH 几乎均是由 X 染色体连锁基因pig-a突变引起 GPI 锚的缺乏所致。

由于 GPI 锚蛋白缺乏,导致超过 150 种锚联蛋白无法定位于细胞表面⁽⁹⁾,其中补体调节蛋白

CD55、CD59 在细胞表面缺乏,致使补体持续激活,主要是 AP 持续激活("tick-over"),通过形成MAC,破坏红细胞,发生慢性持续性血管内溶血^[4-5]。这是 PNH 溶血最重要的机制。CD55 缺失致 C3 转化酶活性增加,除增加 MAC 形成导致血管内溶血外,还可引致 C3b 相关的血管外溶血;CD59 缺失则增加 MAC 的形成,介导红细胞血管内溶血。相较于 CD55,CD59 缺失对 PNH 患者溶血发生更为重要^[4],这与 CD59 直接抑制 MAC 形成有关,并且 CD59 可代偿性阻断 CD55 缺失引起的补体激活。当机体存在炎症、感染、手术等情况时,补体激活迅速增加,导致 PNH 发生急性溶血事件^[4-5]。

Eculizumab(ECU)是人源化补体 C5 单克隆抗体,通过与 C5 结合阻断补体终末途径形成 MAC,从而阻抑血管内溶血发生,被用于溶血性 PNH 的治疗⁽⁸⁾。ECU 结合 C5 阻断 MAC 形成,明显减少 PNH 血管内溶血,补偿了 CD59 缺失。但 ECU 不能改变血细胞 PNH 克隆,不能代偿 CD55 缺乏,CD55 缺乏持续存在,使大量 C3 沉积于红细胞表面,这种被 C3 调理的红细胞在经过肝脾时被捕获吞噬。经 ECU 治疗后,PNH 患者补体 C3 介导的红细胞破坏增加,患者可发生轻中度血管外溶血⁽¹⁰⁻¹²⁾。文献报道经 ECU 治疗后 68%患者直接库姆试验抗 C3 阳性(抗 IgG 阴性)⁽¹²⁾。

ECU 几乎可完全终止 PNH 患者血管内溶血, 改善因贫血导致的乏力症状,以及因血管内溶血导 致的腹痛、吞咽障碍及勃起功能障碍等严重不适, 约 2/3 输血依赖患者可脱离血制品输注⁽⁸⁾。25% ~35%患者仍需要红细胞输注支持,主要与 C3 沉 积引起的血管外溶血有关⁽⁴⁾。

CR1 基因多态性与 PNH 患者对 ECU 治疗反应有关,CR1 基因双低表达患者更易对 ECU 治疗反应欠佳⁽¹³⁾。C5 基因突变不影响其介导发生血管内溶血,但可影响 ECU 的结合,从而导致 ECU 治疗效果欠佳,11 例 ECU 治疗失败者均检测到 C5 基因突变⁽¹⁴⁾。

3 自身免疫性溶血性贫血

根据自身抗体与红细胞最适反应温度不同,自身免疫性溶血性贫血(AIHA)分为温抗体型(wAIHA)、冷抗体型(cAIHA)[包括冷凝集素病(CAD),冷凝集素综合征(CAS)以及阵发性寒冷性血红蛋白尿(PCH)]和温冷抗体混合型。不同类型 AIHA 抗体依赖的细胞介导的细胞毒性(AD-CC)和补体依赖细胞毒性(CDC)溶血机制已有清楚认识⁽¹⁵⁾,近年关于补体参与 AIHA 溶血机制也得以进一步阐明。

在wAIHA中自身抗体绝大多数为 IgG 型,约 50%可检测到补体,多为 C3d。IgG 亚型中 IgG3

激活补体效能强于 IgG1,而 IgG2 效能弱,IgG4 无补体激活能力⁽¹⁵⁻¹⁷⁾。由于自身抗体 IgG 并不总能固定补体,绝大多数结合自身抗体的红细胞主要被脾脏巨噬细胞 Fc 受体识别并吞噬,经 ADCC 发生血管外溶血;仅少量结合自身抗体的红细胞能够有效结合补体 C1,在感染等诱因作用下,通过 CP 激活补体,C3b 沉积于红细胞表面,经网状内皮系统特别是肝脏 Kupfer 细胞时被吞噬,加重血管外溶血。因 DAF 及 CD59 存在,仅有极少数红细胞激活终末补体途径通过 CDC 发生血管内溶血。因而补体系统在 wAIHA 中仅介导部分患者血管外尤其发生在肝脏的血管外溶血加重,以及少量红细胞血管内溶血⁽¹⁵⁾。

cAIHA 中红细胞破坏则主要由补体介导。CAD 是一种独立的克隆性淋巴组织增殖性疾病,而 CAS 指继发于感染、肿瘤等疾患的冷凝集素介导的临床和实验室异常 (18),引致二者的自身抗体-冷凝集素绝大多数为 IgM 型 (19),是强力补体结合激活剂,低温 (4℃)下结合红细胞抗原及 C1,激活补体经典途径形成 C3 转化酶,裂解 C3 使 C3b 沉积于红细胞表面。由于红细胞表面 DAF 及 CD59存在,仅有部分红细胞通过补体终末途径激活,发生直接受 MAC 细胞毒作用的溶解,即血管内溶血。绝大多数红细胞在体温复升至 37℃时,自身抗体 IgM 脱离,大量 C3b 持续存留,红细胞在通过 网状内皮系统时被吞噬,特别是通过肝脏的 Kupfer 细胞吞噬,导致在肝脏发生严重血管外溶血 (15)。

PCH 为一极少见溶血性疾病,可表现为小儿急性短暂性 AIHA,常继发于病毒、细菌或支原体感染^[20-21],或继发于恶性血液病和 II 期梅毒^[15],呈慢性溶血。PCH 溶血由针对红细胞 P 抗原的双向自身抗体(D-L 抗体)所致,引发补体介导的血管内溶血^[20-21]。典型的 D-L 抗体为多克隆 IgG,是强效补体激活物,在低温下与红细胞结合,当红细胞循环至身体温暖部位时,D-L 抗体激活补体经典途径,经 CDC 作用介导红细胞发生血管内溶血;少数红细胞 C3b 沉积于表面,在肝脏发生血管外溶血^[15]。急性发作 PCH 多可自限,患者往往只需避免受凉及支持治疗,当血管内溶血严重时,可给予输注红细胞^[20]。某些重症 PCH 采用免疫抑制治疗可能获益。

严重 CAD 患者利妥昔单抗 (RTX)起效前可用 ECU 行过渡治疗,在严重补体依赖的血管外溶血时,ECU 治疗可使血红蛋白保持稳定及溶血指标下降⁽²²⁾。糖皮质激素、RTX 无效的 CAD,应用 ECU 可使病情得到良好控制⁽²³⁾。 CAD 主要溶血机制并非由 C5/MAC 导致,ECU 可能通过阻止慢性 CAD 血管内溶血急性加重而发挥作用⁽¹⁵⁾。文

献报 道应用 丝氨酸蛋白酶 C1s 单克隆抗体 TNT003 可成功阻断 CAD 溶血发生^[24]。血浆来源 C1 抑制剂治疗 1 例侵袭性非霍奇金淋巴瘤继发wAIHA 有效^[25]。基于补体参与 AIHA 红细胞破坏的机制,以及初步的临床证据,有理由相信补体抑制剂极可能是 cAIHA 治疗希望,而其用于治疗wAIHA 缺乏充足理论证据,且疗效不肯定。若wAIHA 直接库姆试验显示抗补体阳性,则其也可能为补体抑制剂适用者^[15]。

4 微血管病性溶血性贫血

微血管病性溶血性贫血(TMA)是一组病理生理机制相近的异质性疾病,临床常见有血栓性血小板减少性紫癜(TTP),溶血尿毒综合征(HUS),不典型溶血尿毒综合征(aHUS)等。不同类型 TMA临床表现多有重叠,以内皮细胞(EC)损伤和凝血紊乱为特征⁽²⁶⁾,表现为微血管病性血管内溶血、血小板减少、微血管栓塞以及终末器官功能衰竭(最常见为急性肾功能衰竭)等⁽²⁶⁻²⁷⁾。过度血小板粘附/聚集,EC 分泌/锚联超大 vWF(ULVWF)多聚体表面补体 AP 异常活化在上述 TMA 综合征发病中起重要作用⁽²⁸⁾。

TTP以 ADAMTS13 酶活性降低为特征(活性<5%~10%)^[26-27]。因 ADAMTS13 基因突变或自身抗体存在,使 ADAMTS1 酶活性降低,致使 vWF 降解减少,过多 ULVWF 多聚体形成,触发病理性血小板聚集,引起血管内皮损伤,导致微血管血栓。EC 是补体成分合成重要"微工厂",受损 EC 可分泌并锚联 ULVWF 多聚体,为补体 C3b 提供了可结合的活化表面,由此引发补体 AP 激活^[28]。研究发现补体成分 C3b、FB、FD、FP、C5b、FH、FI 均粘附于 ULVWF上,而无 C4 粘附,提示TTP主要涉及补体替代激活途径^[28]。FH、FI等AP负性调节因子与 ULVWF 结合少于 C3b,故AP 异常激活形成 C5 转化酶,最终形成 MAC。EC细胞膜上 MAC 形成可使 Ca²⁺内流,促进 EC 分泌更多 ULVWF^[28]。

HUS 系指继发于肠道产志贺毒素(Stx)细菌感染,以发生 TMA、血小板减少以及急性肾功能衰竭为特征的综合征,是儿童急性肾损害最常见病因之一^[29]。在 HUS 中 ADAMTS1 酶通常降低不明显^[28]。Stx-1 可迅速结合于 EC 分泌/锚联的ULVWF上,降低 ADAMTS13 酶对 vWF 的裂解,或可能阻碍 ADAMTS13 酶与 vWF 剪切位点结合,使得 ULVWF 多聚体降解减慢,延长 ULVWF作用时间,促进血小板聚集活化以及 C3b 与 ULVWF 结合、AP 激活。报道显示 Stx-2 可结合并灭活 AP 负性调节蛋白 FH, Stx-2 的 A 亚基胞吞人细胞后可减少 CD59 的 mRNA 表达及合成。HUS患者体内存在 AP 异常激活, ECU 治疗可获良好

疗效[28]。

大多数 aHUS病因为 AP 相关蛋白基因突变或针对 AP 补体调节蛋白的自身抗体产生,引致补体 AP 不受控制激活^[4]。在多数情况下,aHUS 倾向为"二次打击 (two-hit)"疾病^[4],特别是家族aHUS,其外显率约50%。补体相关蛋白基因异常或自身抗体产生,使得 aHUS 在诱因作用下易于发生补体异常活化^[28]。患者经受触发因素如怀孕、感染、手术等致炎诱因,引起细胞因子释放,刺激 EC 分泌/锚联 ULVWF 多聚体,激活 AP,引致补体大量异常激活^[4,28]。aHUS 中异常补体激活主要通过 AP途径,CP 及 LP亦有参与^[30]。

约 20% aHUS 基因突变涉及 1 个以上基因,部分基因突变的同时还可能存在自身抗体;有报道 aHUS 中检测到涉及 FH、FI、MCP 基因突变超过 120 种,这些补体调节蛋白均具有下调细胞表面 C3b 密度的功能;在 aHUS 中也检测到血栓调节蛋白(THBD)基因突变。 THBD 除可促进凝血酶活化蛋白 C 以外,还可抑制凝血酶裂解激活 C5;AP途径关键蛋白 FB、C3 基因突变致其异常活化也有报道;补体 FH调节蛋白(CFHR)超家族位于染色体 1q32 补体活化调节基因簇中,可能是 FH竞争性抑制剂;有报道 CFHR3、CFHR1 纯合突变可引起 FH自身抗体的产生,导致 aHUS 发生^[31]。 aHUS 基因缺陷总体分布情况为:FH 27%,MCP 7%,THBD 5%,FI 4%,C3 4%,其他如 FB/CF-HR等占约 2%,未知突变占 51%^[4]。

仅通过临床表现难以区分 TTP、HUS 以及 aHUS。对于有 TMA 表现的患者,需积极检测其 ADAMTS13 酶活性以及 Stx,若 ADAMTS13 活性 < 10% 应考虑 TTP 诊断,并根据是否存在 ADAMTS13 抑制物划分获得性和遗传性 TTP,而当 ADAMTS13 活性 > 10% 且 Stx 检测分析阴性时,应考虑 aHUS 诊断 (() 。目前尚无快速诊断 aHUS 的方法,AP 相关基因突变筛查昂贵、费时,并且只有 50% < () () ()) (

对于进展性 TMA 患者,在 ADAMTS13 酶活性等检查结果回报前应实施血浆置换。单纯采用血浆置换治疗 aHUS 疗效甚差,40%~60%患者1年内发生终末肾病或死亡⁽²⁶⁾。ECU 是美国FDA 唯一批准用于治疗 aHUS 的药物。前瞻性临床试验显示 ECU 治疗 aHUS 收获良好疗效,可明显改善 aHUS 患者血液学指标、肾功能及生活质量⁽³²⁻³³⁾。

另外,ABO 血型不合输血、新生儿溶血、造血 干细胞移植、实体器官移植以及大剂量丙种球蛋白 输注时,也可通过经典途径激活补体,引致红细胞 发生血管内溶血,少数发生肝脾血管外溶血^[34]。

综上所述,近年补体在溶血性疾病中所起作用逐渐得以认识,这也使补体成为相关疾病潜在新药研发及治疗靶点。除了已经上市,应用于临床治疗PNH 并获得神奇疗效的 ECU 外,目前还有多个补体通路抑制剂正在研发中,部分已进入临床试验阶段,并初步取得可喜疗效 。相信未来关于补体致病机制的探索及补体通路抑制剂的研发,将显著提高相关血液疾病患者疗效,并明显改善其预后及生存质量。

参考文献

- [1] Varela JC, Tomlinson S. Complement; an overview for the clinician [J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29; 409-427.
- [2] Walport MJ. Complement. First of two parts[J]. N Engl J Med, 2001, 344:1058-1066.
- [3] Harboe M, Mollnes TE. The alternative complement pathway revisited [J]. J Cell Mol Med, 2008, 12: 1074-1084.
- [4] Brodsky RA. Complement in hemolytic anemia [J]. Blood, 2015, 126; 2459 2465.
- [5] Dezern AE, Brodsky RA. Paroxysmal nocturnal hemoglobinuria; a complement-mediated hemolytic anemia [J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29: 479—494.
- [6] Hochsmann B, Schrezenmeier H. Congenital CD59 deficiency[J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29: 495-507.
- [7] Brodsky RA. Paroxysmal nocturnal hemoglobinuria [J]. Blood, 2014, 124; 2804—2811.
- [8] Luzzatto L. Recent advances in the pathogenesis and treatment of paroxysmal nocturnal hemoglobinuria [J]. F1000Res, 2016, 5: F1000 Faculty Rev-209.
- [9] Fujita M, Kinoshita T. GPI-anchor remodeling: potential functions of GPI-anchors in intracellular trafficking and membrane dynamics [J]. Biochim Biophys Acta, 2012, 1821:1050—1058.
- [10] Lin Z, Schmidt CQ, Koutsogiannaki S, et al. Complement C3dg-mediated erythrophagocytosis: implications for paroxysmal nocturnal hemoglobinuria [J]. Blood, 2015, 126;891—894.
- [11] Risitano AM, Notaro R, Marando L, et al. Complement fraction 3 binding on erythrocytes as additional mechanism of disease in paroxysmal nocturnal hemoglobinuria patients treated by eculizumab[J]. Blood, 2009,113;4094—4100.
- [12] Hill A, Rother RP, Arnold L, et al. Eculizumab prevents intravascular hemolysis in patients with paroxysmal nocturnal hemoglobinuria and unmasks low-level extravascular hemolysis occurring through C3 opsonization [J]. Haematologica, 2010, 95;567—573.
- [13] Rondelli T, Risitano AM, Peffault de Latour R, et al. Polymorphism of the complement receptor 1 gene cor-

- relates with the hematologic response to eculizumab in patients with paroxysmal nocturnal hemoglobinuria [J]. Haematologica, 2014, 99:262—266.
- [14] Nishimura J, Yamamoto M, Hayashi S, et al. Genetic variants in C5 and poor response to eculizumab[J]. N Engl J Med, 2014, 370:632-639.
- [15] Berentsen S, Sundic T. Red blood cell destruction in autoimmune hemolytic anemia: role of complement and potential new targets for therapy[J]. Biomed Res Int, 2015, 2015; 363278.
- [16] Packman CH. Hemolytic anemia due to warm autoantibodies[J]. Blood Rev, 2008, 22:17—31.
- [17] Sokol RJ, Booker DJ, Stamps R, et al. IgA red cell autoantibodies and autoimmune hemolysis [J]. Transfusion, 1997, 37; 175—181.
- [18] Randen U, Troen G, Tierens A, et al. Primary cold agglutinin-associated lymphoproliferative disease: a B-cell lymphoma of the bone marrow distinct from lymphoplasmacytic lymphoma [J]. Haematologica, 2014, 99:497—504.
- [19] Berentsen S, Ulvestad E, Langholm R, et al. Primary chronic cold agglutinin disease; a population based clinical study of 86 patients[J]. Haematologica, 2006, 91;460—466.
- [20] Petz LD. Cold antibody autoimmune hemolytic anemias[J]. Blood Rev, 2008, 22:1-15.
- [21] Shanbhag S, Spivak J. Paroxysmal cold hemoglobinuria [J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29: 473-478.
- [22] Shapiro R, Chin-Yee I, Lam S. Eculizumab as a bridge to immunosuppressive therapy in severe cold agglutinin disease of anti-Pr specificity[J]. Clin Case Rep, 2015,3:942-944.
- [23] Roth A, Huttmann A, Rother RP, et al. Long-term efficacy of the complement inhibitor eculizumab in cold agglutinin disease[J]. Blood, 2009, 113:3885—3886.
- [24] Shi J, Rose EL, Singh A, et al. TNT003, an inhibitor of the serine protease Cls, prevents complement activation induced by cold agglutinins [J]. Blood, 2014, 123:4015—4022.
- [25] Wouters D, Stephan F, Strengers P, et al. C1-esterase inhibitor concentrate rescues erythrocytes from com-

- plement-mediated destruction in autoimmune hemolytic anemia[J]. Blood, 2013, 121:1242—1244.
- [26] Kavanagh D, Raman S, Sheerin NS, Management of hemolytic uremic syndrome [J]. F1000Prime Rep, 2014,6:119.
- [27] Sperati CJ, Moliterno AR. Thrombotic microangiopathy: focus on atypical hemolytic uremic syndrome[J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29:541—559.
- [28] Turner N, Sartain S, Moake J. Ultralarge von Willebrand factor-induced platelet clumping and activation of the alternative complement pathway in thrombotic thrombocytopenic purpura and the hemolytic-uremic syndromes[J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29:509—524.
- [29] Keir LS. Shiga toxin associated hemolytic uremic syndrome[J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29: 525-539.
- [30] Chua JS, Baelde HJ, Zandbergen M, et al. Complement factor C4d is a common denominator in thrombotic microangiopathy[J]. J Am Soc Nephrol, 2015, 26: 2239-2247.
- [31] Noris M, Caprioli J, Bresin E, et al. Relative role of genetic complement abnormalities in sporadic and familial aHUS and their impact on clinical phenotype [J]. Clin J Am Soc Nephrol, 2010, 5:1844-1859.
- [32] Fakhouri F, Hourmant M, Campistol JM, et al. Terminal complement inhibitor eculizumab in adult patients with atypical hemolytic uremic syndrome: a single-arm, open-label trial[J]. Am J Kidney Dis, 2016, 68: 84-93.
- [33] Legendre CM, Licht C, Muus P, et al. Terminal complement inhibitor eculizumab in atypical hemolytic-uremic syndrome [J]. N Engl J Med, 2013, 368: 2169-2181.
- [34] Simmons DP, Savage WJ. Hemolysis from ABO incompatibility [J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015,29,429-443.
- [35] Risitano AM. Current and future pharmacologic complement inhibitors [J]. Hematol Oncol Clin North Am, 2015, 29:561-582.

(收稿日期:2016-07-21)